

Avaliação de genótipos de soja frente ao patógeno causador do cancro da haste

Luiz Paulo Figueiredo¹, Eduardo Antonio Gavioli², Marcus Vinicius Pirri¹,

¹ Discente do Curso de Engenharia Agrônômica do Instituto Taquaritinguense de Ensino Superior - ITES - email: lp.figueiredo@hotmail.com, ² Docente do Instituto Taquaritinguense de Ensino Superior – ITES.

A doença denominada cancro da haste em soja, causada pelo fungo *Diaporthe phaseolorum f. sp. meridionalis* (Dpm), possui grande importância econômica no cenário nacional. O patógeno causador da doença encontra-se disseminado por todas as regiões produtoras de soja no Brasil, fazendo com que todas as cultivares comerciais, obrigatoriamente, apresentem resistência à doença. Entretanto, esta resistência pode ser quebrada pelo patógeno a qualquer momento, sendo imprescindível a descoberta de novas fontes de genes que conferem resistência à soja. Mesmo contando com medidas alternativas que permitam reduzir o risco de perdas na produção, o uso de cultivares resistentes é a forma mais viável e econômica de controle da doença. Desse modo, o objetivo deste trabalho foi avaliar a resistência ao fungo causador do cancro da haste encontrada em uma planta introduzida denominada PI 471904, sendo popularmente chamada de Orba, visando à identificação de uma nova fonte de resistência. A população F2 oriunda do cruzamento Ocepar-4 (S) x PI 471904 (R) foi submetida à inoculação do patógeno no estágio V1 através do método do palito de dente colonizado com micélio do fungo Dpm e avaliada a fim de se conhecer o padrão de segregação. Plantas F2 oriundas do cruzamento BR92-15454 (R) x PI 471904 (R) foram submetidas aos mesmos procedimentos para determinação do tipo de herança. O teste de Quiquadrado (X²) foi utilizado para comprovação das hipóteses de segregação e indicou que os genes de resistência presentes nos genótipos PI 471904 (R) e BR92-15454 (R) encontram-se localizados no mesmo locus. Concluiu-se que o gene da resistência ao Dpm encontrado na PI 471904 (Orba) é o mesmo presente no genótipo BR92-15454.

Palavras-chave: doença; fungo; *Glycine max*; inóculo; resistência.